

Портфолио аспиранта

	Михайлов Иван Максимович	
Направление	06.06.01	Биологические науки
Профиль	1.5.8.	Математическая биология, биоинформатика
Срок обучения	21.09.2020	20.09.2023
Лаборатория (подразделение)	группа регуляторной транскриптомики и эпигеномики	
Научный руководитель	к.б.н., рук. группы Медведева Юлия Анатольевна	
Тема научной работы	Создание комплексной системы оценки генотоксичности химических веществ с использованием высокопроизводительного секвенирования	
Успеваемость		
дисциплина	дата экзамена	оценка
Специальность (математическая биология, биоинформатика)	-	-
Иностранный язык	09.07.2020	отлично
История и философия науки реферат	14.07.2020	отлично
Публикации		
<i>Статьи</i>		
1. Matsvay A., Dyachkova M., Mikhaylov I., Kiselev D., Say A., Burskaia V., Artyushin I., Khafizov K., Shipulin G. Complete Genome Sequence, Molecular Characterization and Phylogenetic Relationships of a Novel Tern Atadenovirus // Microorganisms. – 2021. – Vol.10 (1). – P. 31.		
2. Matsvay A., Klink G. V., Safina K. R., Nabieva E., Garushyants S. K., Biba D., Bazykin G.A., Mikhaylov I.M. et al. Genomic epidemiology of SARS-CoV-2 in Russia reveals recurring cross-border transmission throughout 2020 // medRxiv. – 2021.		
<i>Тезисы докладов</i>		
1. Михайлов И.М. Выбор и получение объектов для разработки методики определения генотоксичности с использованием высокопроизводительного секвенирования // Труды 63-й Всероссийской научной конференции МФТИ. – 2020. – С. 14-15. (тезисы и устный доклад)		
2. Михайлов И.М. Создание комплексной системы оценки генотоксичности химических веществ с использованием высокопроизводительного секвенирования // Сборник тезисов отчётной конференции аспирантов ФИЦ Биотехнологии РАН: направление подготовки 06.06.01 Биологические науки (21-25 июня 2021 г.) / под ред. В.О. Попова, А.Н. Фёдорова; сост. Е.С. Титова. – М.: ВАШ ФОРМАТ. – 2021. – С. 147-150. (тезисы и устный доклад)		
3. Михайлов И.М., Абрамов И.С., Рябая О.О., Мацвай А.Д., Шипулин Г.А. Выбор и		

получение объектов для разработки Методики определения генотоксичности с использованием высокопроизводительного секвенирования // Сборник тезисов конференции «NGS в медицинской генетике» – 2021. – С. 14-15. (Постерный доклад)

4. Михайлов И.М., Мурашкина А.А., Киселев В.В., Ахальцева Л.В., Ингель Ф.И., Никитина Т.А., Коняшкина М.А., Шипулин Г.А. Разработка алгоритма автоматического анализа индукции микроядер, хромосомных мостов и апоптоза на основе нейронных сетей // Сборник тезисов VIII международной научно-практической конференции молодых ученых: биофизиков, биотехнологов, молекулярных биологов и вирусологов. – 2021. – Новосибирск: НГУ. – С. 312.

5. Сай А.В., Мацвай А.Д., Михайлов И.М., Киселев Д.А., Айгинин А.А., Гордукова М.А., Галеева Е.В., Шипулин Г.А. Выявление бактериальных возбудителей инфекций центральной нервной системы методом высокопроизводительного секвенирования // Сборник тезисов VIII международной научно-практической конференции молодых ученых: биофизиков, биотехнологов, молекулярных биологов и вирусологов. – 2021. – Новосибирск: НГУ. – С. 331.

6. Мацвай А.Д., Айгинин А.А., Михайлов И.М., Сай А.В., Хафизов К.Ф., Шипулин Г.А. Разработка и применение универсального алгоритма создания мультипраймерных панелей для детекции широкого спектра вирусных патогенов с использованием методов высокопроизводительного секвенирования // Сборник тезисов VIII международной научно-практической конференции молодых ученых: биофизиков, биотехнологов, молекулярных биологов и вирусологов. – 2021. – Новосибирск: НГУ. – С. 213.

7. Михайлов И.М. СОЗДАНИЕ КОМПЛЕКСНОЙ СИСТЕМЫ ОЦЕНКИ ГЕНОТОКСИЧНОСТИ ХИМИЧЕСКИХ ВЕЩЕСТВ С ИСПОЛЬЗОВАНИЕМ ВЫСОКОПРОИЗВОДИТЕЛЬНОГО СЕКВЕНИРОВАНИЯ // Сборник тезисов отчётной конференции аспирантов ФИЦ Биотехнологии РАН: направление подготовки 06.06.01 Биологические науки (23-30 июня 2022 г.) / под ред. В.О. Попова, А.Н. Фёдорова; сост. Е.С. Титова, С.В. Соловьева. – М.: ВАШ ФОРМАТ. – 2022. – С. 137-143. (тезисы и устный доклад)